

GBI Nap 2022 2022.11.18.

9:00 Plenáris előadás

A növénynemesítés, -genetika és -biotechnológia oktatása a gödöllői egyetemen (GATE-SZIE-MATE) Prof. Dr. Kiss Erzsébet

I. Szekció 9:00-10:40

Szekcióelnök: Bánfalvi Zsófia

9:30. A szarvasfélék természetes táplálékainak mikotoxin analitikája - Analysis of acorn of the pedunculate oak (*Quercus robur*) and the sessile oak (*Quercus petraea*) for presence of mycotoxins of *Fusarium*- and *Aspergillus* species

szerzők: Skoda Gabriella, Molnár Zsófia, Tóth Arnold, Lakatos István, Nagyéri György, Szőke Zsuzsanna

Szaporodásbiológia és Toxikológia Csoport és Precíziós Nemesítés Csoport

9:50. WDV rezisztencia kialakítása árpában CRISPR/Cas9 és mesterséges miRNS technológiák egyidejű alkalmazásával - Development of WDV resistance in barley using CRISPR/Cas9 and artificial miRNA technologies simultaneously

szerzők: Kis András, Tholt Gergely, Dalmadi Ágnes, Sorbán-Kiss Barbara, Havelda Zoltán

Növényfiziológiai és Fejlődésbiológiai Csoport

10:10. Study of the development of resistance/tolerance to antibiotics and plant extracts

szerzők: Mishell Stephanya Corral Orbe, Balázs Libisch, Péter Papp, Katalin Posta, Ferenc Olasz, Tibor Keresztény

Mikrobiális Biotechnológia és Mikrobiomika Csoport

10:25. Graft transmissible metabolite changes in tubers of an early- and a late maturing potato line.

szerzők: Vanda Villányi, Orsolya Kinga Gondor, Zsófia Bánfalvi

Burgonyakutatás Csoport

10:40 - 10:55 kávészünet

II. Szekció 10:55-12:35

Szekcióelnök: Kiss János

10:55. Hierarchical roles of Argonaute proteins in antiviral defense

szerzők: Márta Ludman, Károly Fátyol

Növény Immunológia Csoport

11:15. Knockout letális fenotípusok menekítése egérben (Rescuing knockout lethal phenotypes in mice)

szerzők: Lipták Nándor, Gál Zoltán, Biró Bálint, Hiripi László, Hoffmann Orsolya Ivett

Modellállat Genetika Csoport

11:35. The identification and expression of UDPGT genes involved in the rosavin pathway; revealed by RNA sequencing

szerzők: Aaqib Javid, Zsuzsanna György

Kertészeti Növénygenetika Csoport

11:50. Promoter mutagenesis of a tomato fruit ripening related DNA demethylase by genome editing

szerzők: Teréz Gorcsa, Péter Gyula, Anita Sós-Hegedűs, György Szittya

Epigenetika Csoport

12:05. Biotechnológiai mellékszál a méhegészségügyben: lítium sók Varroa atka elleni hatásának vizsgálata (A biotechnological by-product in honey bee health: investigations of lithium salts against the Varroa mite)

szerzők: Kolics Balázs, Solti Izabella, Mátyás Kinga, Nagy Erzsébet, Taller János, Specziár András, Kolics Éva

Festetics Bioinnovációs Csoport

12:20. Korai mikotoxin kitettség vizsgálata preimplantációs nyúl embrióban (Investigating the effect of early mycotoxin exposure on preimplantation rabbit embryos)

szerzők: Pintér Tímea, Skoda Gabriella, Lipták Nándor, Gócza Elen, Ferencziné Szőke Zsuzsanna, Bodrogi Lilla

Precíziós Nemesítés Csoport

12:35-13:40 ebédszünet

III. Szekció 13:40-14:50

Szekcióelnök: Stéger Viktor

13:40. The roles of an RNAPII subunit during heat stress adaptation in plants

szerzők: Radhika Verma, István Szádeczky-Kardoss, Henrik M Szaker, Tibor Csorba
Növényi Stresszbiológia Csoport

14:00. A lopakodás nagymestere: Molekuláris genetikai módszerek a vadmacska monitorozásában (The master of stealth: Molecular genetic methods in wildcat monitoring)

szerzők: Fehér Péter, Frank Krisztián, Ninausz Nóra, Stéger Viktor
Alkalmazott Vad- és Haszonállat Genomikai Csoport

14:20. Genetic complementation analysis of barley AGO4 genes in Arabidopsis ago4 mutant

szerzők: Fabio Miloro, Ágnes Dalmadi, András Kis, Zoltán Havelda
Növényfiziológiai és Fejlődésbiológiai Csoport

14:35. Új *Xanthomonas hortorum* pv. *gardneri* rezisztencia források keresése paprikában (*capsicum baccatum* var. *pendulum*, var. *baccatum*) (Search for new sources of resistance to *Xanthomonas hortorum* pv. *Gardneri* in pepper (*capsicum baccatum* var. *Pendulum*, var. *Baccatum*))

szerzők: Tóth Zoltán Gábor, Tóth Máté, Szabó Zoltán, Tóth Zoltán
Alkalmazott Növénygenomikai Csoport

14:50-15:10 kávészünet

IV. Szekció 15:10-16:00

Szekcióelnök: Gócza Elen

15:10. A family based whole genome genotyping approach for identifying recombinations, haplotypes and denovo mutations

szerzők: Maher Alnajjar, Tibor Nagy, Levente Kontra, Zsófia Fekete, Nóra Ninausz, Viktor Stéger, Zoltán Német, Endre Barta

Mezőgazdasági Genomikai és Bioinformatikai Csoport

15:30. Házityúk ősvarsejt (PGC) tenyészetek RNS expressziós mintázatának összehasonlítása

szerzők: Tokodyné Szabadi Nikolett, Tóth Roland, Lázár Bence, Maria Teresa Salinas Aponte, Patakiné Várkonyi Eszter, Liptói Krisztina, Gócza Elen

Alkalmazott Embriológia és Össejtbiológia Csoport

15:45. Elfekvő (pcx) és tortuosa (tti) mutáns paprika vonalak jellemzése, a hypokotil növekedésének *in vitro* vizsgálata (Characterization and *in vitro* analysis of hypocotyl growth in mutant pcx (procumbent) and tti (tortuosa) *Capsicum annuum* plants)

szerzők: Pápai Bánk, Beatrice Konadu, Kovács Zsófia, Veres Anikó, Szőke Antal, Csilléry Gábor
Molekuláris Genetika és Nemesítés Csoport

16:30 Az elmúlt év összegzése, díjkiosztó